

6. Каюмов Ф.Г. Продуктивные качества калмыцких помесей / Ф.Г. Каюмов, В.К. Еременко, А.Ф. Чемоданов // Зоотехния. - 1999. - №2. - с.23-25.

7. Клейменов Н.И. Системы выращивания крупного рогатого скота / Н.И. Клейменов, В.Н. Клейменов, А.Н. Клейменов. - М.: Росагропромиздат, 1989. - 320 с.

8. Петров Е.Б. Технологические и экономические аспекты производства говядины. / Е.Б. Петров, А.И. Чертоляс, Ю. Кранц. // Рекомендации. - Москва - 2007 г.- МСХ, ФГУП «ГВЦ Минсельхоза России», с. 36.

9. Сипатый Д.В. Льяное семя в стартерных комбикормах для телят [Телята молочного периода] / Д.В. Сипатый, М.П. Кирилов, В.Н. Виноградов, Н.И. Анисова, Р.З. Фатрахманов. // Научные основы повышения продуктивности сельскохозяйственных животных / Ярослав. науч.-исслед. ин-т животноводства и кормопроизводства. - Ярославль, 2009. - С. - 155-158.

10. Топурия Г.М., Чернокожев А.И. Применение Гормивита при выращивании телят. - Краснодар. - Ветеринария Кубани, № 3, 2010. - с. 7-8.

Контактная информация об авторах для переписки

Махаринец Галина Григорьевна, кандидат биологических наук, заведующая отделом животноводства ГНУ ДЗНИИСХ, e-mail: dzniisx@aksay.ru

Добрелин Вадим Иванович, кандидат ветеринарных наук, заместитель заведующего лабораторией молочного и мясного скотоводства ГНУ ДЗНИИСХ

УДК 579.252.55:615.332:579.25:577.212.3

Семенихин В. И., Юрик С. А.

(ГНУ Институт экспериментальной ветеринарии Сибири и Дальнего Востока Россельхозакадемии)

ДИФФЕРЕНЦИАЦИЯ НА ПОДВИДЫ С ПОМОЩЬЮ ОЛИГОНУКЛЕОТИДНЫХ ПРАЙМЕРОВ ГОМОФЕРМЕНТАТИВНЫХ МЕЗОФИЛЬНЫХ ЛАКТОКОККОВ

Ключевые слова: штамм, культура, *Lactococcus lactis* subspecies *cremoris*, subspecies *lactis*, ДНК, ПЦР, праймер.

При производстве сметаны, творога и других кисломолочных продуктов в качестве одного из компонентов бактериальной закваски используют гомоферментативные мезофильные *Lactococcus lactis*. При типировании штаммов и изолятов *Lactococcus lactis* на подвиды применяют несколько методов, где основным является способ, основанный на изучении биологических и биохимических свойств и сопоставлении полученных данных с данными дифференциальной таблицы 178. определителя микроорганизмов Берджи [1]. Это позволяет определить видовую принадлежность тестируемых лактококков.

В последующем рядом исследователей были использованы различные способы дифференциации лактококков, основанные на анализе ДНК гена 16S rRNA *Lactococcus lactis*. Так применялся метод, основанный на использовании RAPD-PCR (random amplified polymorphic DNA) для 16S rRNA гена. Осуществлялся синтез, затем проводился электрофорез и сравне-

ние фингерпринтов данного гена с фингерпринтами, полученными одновременно на референтные штаммы *Lactococcus lactis* и делалось заключение о принадлежности исследуемой культуры к subspecies *lactis* или subspecies *cremoris* [2].

Другим приемом для определения видовой принадлежности является RFLP (restriction fragment length polymorphisms) анализ, включающий синтез олигонуклеотидных праймеров на ген *gadB* *Lactococcus lactis* subspecies *lactis*, проведение ПЦР, гидролиз эндонуклеазой рестрикции *AseI* и электрофорез. Затем сравниваются паттерны данного гена с паттернами, полученными одновременно на референтные штаммы *Lactococcus lactis* subspecies *lactis*, делается заключение о принадлежности исследуемой культуры [3]. В другом варианте специфичность полученных паттернов для subspecies *cremoris* и subspecies *lactis* подтверждалась гибридизацией в не радиоактивном варианте. [4].

К недостаткам вышеназванных методов можно отнести в первом случае необходимость проведения большого числа биохимических дифференцирующих тестов, а во втором – при идентификации культуры лактококков помимо постановки ПЦР необходимо осуществлять гидролиз ампликонов эндонуклеазами, гибридизацию с ДНК-зондом и сравнение с референтными культурами, что обуславливает длительность процесса тестирования и высокую его стоимость.

Целью наших исследований было разработать способ мономорфного маркирования нуклеотидных последовательностей при помощи специфических синтетических олигонуклеотидных праймеров в ПЦР с использованием в качестве молекулярной мишени ДНК генов транспозонов *Lactococcus lactis subspecies lactis* и *Lactococcus lactis subspecies cremoris*.

Материалы и методы исследования

Исследованию были подвергнуты культуры *Lactococcus lactis*, выделенные в разные годы в лаборатории микробиологии ГБНУ СибНИИС Россельхозакадемии (г. Барнаул). Для выделения ДНК с помощью 10% СТАВ брали суспензии штаммов и культур, выращенных на питательном бульоне из гидролизованного молока (БГМ).

Выбор специфических праймеров осуществляли на основе выбранных фрагментов ДНК, характерных для *Lactococcus lactis subspecies lactis* и *subspecies cremoris*, при анализе полных геномов референтных штаммов, представленных в базе данных GenBank (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/GenBank Search.html>). Химический синтез праймеров осуществляли амидофосфитным методом на автоматическом синтезаторе ASM-102U (Biosset Ltd, Новосибирск). Концентрацию олигонуклеотидных праймеров в маточном растворе определяли спектрометрическим методом.

Постановку ПЦР проводили на амплификаторах «Бис» М-105. О результатах судили по размеру синтезированного фрагмента ДНК, мигрирующего в 1,0%-м геле агарозы при силе тока 35–40 мА. В качестве маркера использовали ДНК pBLSKII(+), гидролизованную MspI. Документирование полученных результатов проводили с помощью цифровой фотокамеры.

Секвенирование ампликонов выполняли по двум цепочкам ДНК, используя общепринятые методики Т. Маниатис, Э. Фрич, Д. Сэмбрук [5] и Максама-Гилбер-

та [6].

Результаты и обсуждение

Праймеры. Поиск специфических праймеров осуществляли на основе выбранных фрагментов ДНК генов транспозонов, характерных только для *Lactococcus lactis subspecies cremoris* и, соответственно, для *subspecies lactis*. Провели анализ полных геномов референтных штаммов *Lactococcus lactis ssp. cremoris*: MG1363, NZ9000, SK11, и *ssp. lactis*: IL1403, KF147, CRL264, представленные в базе данных GenBank (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/GenBank Search.html>). Выбранные фрагменты ДНК тестировали с помощью программы Blast (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/blast>). Окончательный выбор праймеров 12F-12R для *ssp. cremoris* и 83F-83R для *ssp. lactis* основывался на следующих критериях: высокий уровень сходства соответствующих специфических фрагментов ДНК *Lactococcus lactis subspecies (ssp.) cremoris* и *Lactococcus lactis subspecies (ssp.) lactis* с ДНК различных штаммов этой бактерии. Олигонуклеотиды были комплементарны последовательностям специфических фрагментов ДНК *ssp. cremoris* и *ssp. lactis*, не образовывали димеры.

Выделение ДНК. При выделении из бактериальной культуры лактококков клетки осаждали в бляшку центрифугированием 1-2 мин при 5500-6000 об/мин. Надосадочную жидкость удаляли. 50 мкл культуры добавляли к 350 мкл подогретого до +80 С 10% СТАВ, перемешивали и инкубировали 30 минут. Экстрагирование ДНК проводили с помощью смеси фенол/хлороформ/изоамиловый спирт (25:24:1). Из водной фазы ДНК осаждали двумя объемами этанола, затем высушивали при +37 С в течение 25 мин и растворяли в 40 мкл автоклавированной бидистиллированной воды.

Проведение полимеразной цепной реакции.

Состав реакционной смеси для каждой исследуемой пробы ДНК 2,5 мкл 10х буфера (650 mM трис-HCl pH 8,9; 160 mM (NH)₄SO₄; 30 mM MgCl₂; 0,5% Tvin-20); 2,5 мкл 2,5 mM dNTP, 2,5 мкл 0,25 мкМ каждого праймера; 0,5 мкл 2,5 е.а. Taq-ДНК полимеразы; 2-3 мкл пробы ДНК и автоклавированной бидистиллированной воды до 25 мкл. Температурный режим проведения ПЦР: прогревание реакционной смеси при 95°С в течение 3 мин – 1 цикл, затем денатурация при 94°С 0,2 мин, отжиг при 60°С 0,2 мин, элонгация при 72°С 0,4 мин – 40 циклов и досинтез при 72°С в течение 0,8 мин

– 1 цикл.

Определение размера продуктов ПЦР. Продукты ПЦР визуализировали методом электрофореза в 0,5х трис-боратном буфере, который проводили в 1%-ном геле агарозы с бромистым этидием при силе тока 40 мА в течение 25–30 мин. 12,5 мкл продуктов ПЦР смешивали с 3 мкл буфера для нанесения и вносили в лунки геля под электрофорезный буфер. Электрофо-

рез проводили до тех пор, пока краситель пройдет от старта не менее 2,5-3,5 см геля (примерно 35 минут). Результаты учитывали с помощью трансиллюминатора, просматривая гель в ультрафиолетовом свете с длиной волны 254 нм. Анализ считали положительным, если размер ампликона соответствовал ожидаемому размеру фрагмента ДНК *ssp. lactis* в 449 н.п., а фрагмента ДНК *ssp. cremoris* – в 334 н. п.

Таблица – Результаты исследований по определению специфичности ПЦР по выявлению *Lactococcus lactis ssp. cremoris* и *ssp. lactis*

№ п/п	Наименование культуры	ПЦР с праймерами	
		<i>ssp. cremoris</i> 12F-12R	<i>ssp.s lactis</i> 83F- 83R
1	<i>Staphylococcus aureus</i>	Отрицательно	Отрицательно
2	<i>Staphylococcus albus</i>	Отрицательно	Отрицательно
3	<i>Streptococcus epidermitis</i>	Отрицательно	Отрицательно
4	<i>Streptococcus pyogenes</i>	Отрицательно	Отрицательно
5	<i>Escherihia coli</i>	Отрицательно	Отрицательно
6	<i>Proteus vulgaris</i>	Отрицательно	Отрицательно
7	<i>Streptococcus termophilus</i> 124 Коллекция ГНУ СибНИИС	Отрицательно	Отрицательно
8	<i>Streptococcus termophilus</i> 28-2 Коллекция ГНУ СибНИИС	Отрицательно	Отрицательно
9	<i>Lactoc. lactis ssp. lactis</i> 174 Коллекция ГНУ СибНИИС	Отрицательно	Положительно
10	<i>Lactoc. lactis ssp. cremoris</i> C9182 Коллекция ГНУ СибНИИС	Положительно	Отрицательно
11	<i>Lactoc. lactis ssp. cremoris</i> 1614 Коллекция ГНУ СибНИИС	Положительно	Отрицательно
12	<i>Lactoc. lactis ssp. cremoris</i> 3М-5 Коллекция ГНУ СибНИИС	Положительно	Отрицательно
13	<i>Lactoc. lactis ssp. cremoris</i> E8 Коллекция ГНУ СибНИИС, Барнаул	Положительно	Отрицательно
14	<i>Lactoc. lactis ssp. lactis</i> №49 Коллекция ГНУ СибНИИС, Барнаул	Отрицательно	Положительно
15	<i>Lactoc. lactis ssp. lactis</i> 283 Коллекция ГНУ СибНИИС, Барнаул	Отрицательно	Положительно
16	<i>Lactoc. lactis ssp. lactis</i> 344-4 Коллекция ГНУ СибНИИС, Барнаул	Отрицательно	Положительно
17	<i>Lactoc. lactis ssp. lactis</i> 430-4 Коллекция ГНУ СибНИИС, Барнаул	Отрицательно	Положительно
18	<i>Lactococcus lactis subsp. lactis</i> 505-2 Коллекция ГНУ СибНИИС, Барнаул	Отрицательно	Положительно
19	<i>Lactobac. acidophilus</i> La 5 Коллекция ГНУ СибНИИС	Отрицательно	Отрицательно
20	<i>Lactobac. delbr. ssp. bulgaricus</i> 630 Коллекция ГНУ СибНИИС	Отрицательно	Отрицательно
21	Дистиллированная вода	Отрицательно	Отрицательно

Определение специфичности ПЦР. Обобщенные результаты серии исследований по определению специфичности ПЦР с праймерами 12F-12R и 83F-83R представлены в таблице, которые показывают, что положительные анализы продуктов ПЦР получали только тогда, когда в качестве матрицы использовали ДНК фрагмента генов *tranposase*, характерные только для *Lactococcus lactis* ssp. *cremoris* и, соответственно, для *Lactococcus lactis* ssp. *lactis*. Анализы были отрицательными, когда использовали ДНК других бактерий.

Для подтверждения специфичности синтезируемых фрагментов ДНК, характерных для *Lactococcus lactis* ssp. *cremoris*, наработали их с праймерами 12F-12R на матрице ДНК штамма *Lactococcus lactis* ssp. *cremoris* str. 3M-5. Аналогично поступили с фрагментами для *Lactococcus lactis* ssp. *lactis*, полученных с праймерами 83F-83R на матрице ДНК штамма *Lactococcus lactis* ssp. *lactis* str. 49. Затем провели их секвенирование.

Анализ нуклеотидных последователь-

ностей синтезируемых ампликонов с помощью праймеров 12F-12R и 83F-83R провели методом выравнивания с опубликованными последовательностями полных геномов референтных штаммов *Lactococcus lactis* ssp. *cremoris* и ssp. *lactis* (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/GenBankSearch.html>). Установили, что рассматриваемые нуклеотидные последовательности ампликонов исследуемых штаммов *Lactococcus lactis* ssp. *cremoris* str. 3M-5 и *Lactococcus lactis* ssp. *lactis* str. 49 совпадали соответственно с опубликованными нуклеотидными последовательностями референтных штаммов.

Таким образом, разработанные синтетические олигонуклеотидные праймеры 12F-12R и 83F-83R для выявления фрагментов ДНК, характерных только для *Lactococcus lactis* subspecies *cremoris* и *Lactococcus lactis* subspecies *lactis* обладают специфичностью и позволяют проводить дифференциацию на подвиды штаммов и культур *Lactococcus lactis*, используемых в заквасочных культурах при производстве кисломолочных продуктов.

Резюме: Разработанные синтетические олигонуклеотидные праймеры 12F-12R и 83F-83R для выявления *Lactococcus lactis* subspecies *cremoris* и *Lactococcus lactis* subspecies *lactis* обладают специфичностью и позволяют проводить дифференциацию на подвиды штаммов *Lactococcus lactis*, используемых в заквасочных культурах при производстве кисломолочных продуктов.

SUMMARY

The developed synthetic oligonucleotide primers 12F-12R, and 83F-83R to detect DNA fragments unique to the *Lactococcus lactis* subspecies *cremoris* and *Lactococcus lactis* subspecies *lactis* possess specificity and allow differentiation to the subspecies strains and cultures *Lactococcus lactis*, starter cultures used in the manufacture of dairy products.

Keywords: strain, culture, *Lactococcus lactis* subspecies *cremoris*, subspecies *lactis*, DNA, PCR primer.

Литература

1. Определитель бактерий Берджи. В 2-х т. – Т.2. – Под ред. Дж. Хоулта, Н. Крига, П. Снита, Дж. Стрейли, С. Уильямса. – М.: Мир. – 1997. – С. 538-566.
2. J. Prod'homme, A. Panov and B. Rittich Application of PCR, rep-PCR and RAPD techniques for typing of *Lactococcus lactis* strains// Folia Microbiologica – 2005. – vol. 50. – № 2. – P. 150-154.
3. M. Nomura, M. Kobayashi, and T. Okamoto Rapid PCR-Based Method Which Can Determine Both Phenotype and Genotype of *Lactococcus lactis* Subspecies// Applied and Environmental Microbiology. May 2002. – vol. 68. – № 5. – P. 2209-2213.
4. Ward L.J. Two methods for the genetic differentiation of *Lactococcus lactis* ssp. *lactis* and *cremoris* based on differences in the 16S rRNA gene sequence/ L.J. Ward, J.C. Brown, G. P. Davey //FEMS Microbiol Lett. – 1998. – vol. 166. – №1. – P. 15–20.
5. Маниатис Т. Молекулярное клонирование / Маниатис Т., Фрич Э., Сэмбрук Д. – М.: Мир, 1984. – С. 205–240.
6. Maxam E.M., Gilbert W. In: Methods in Enzymology. – 1980. – Vol. 65. – Part. I. – P. 499–550.

Контактная информация об авторах для переписки

Владимир Иванович Семенихин, доктор биологических наук, заведующий лабораторией генной инженерии ГНУ ИЭВСиДВ Россельхозакадемии, служебный (383) 348-57-09; E-mail: vsemenikhin@mail.ru

София Антоновна Юрик, кандидат биологических наук, старший научный сотрудник лаборатории генной инженерии ГНУ ИЭВСиДВ Россельхозакадемии, служебный (383) 348-57-09, государственное научное учреждение Институт экспериментальной ветеринарии Сибири и Дальнего Востока Россельхозакадемии, 630501, Новосибирская область, Новосибирский район, п. Краснообск, а/я 8